

تولید پروتئین نوترکیب زیر واحد B پیلای ویبریو کله

سمیه کیایی^۱، حمید ابطی^{۲*}، قاسم مسیبی^۳، محمد یوسف علیخانی^۴

خلاصه

مقدمه: ویبریو کله یک باکتری گرم منفی است که باعث ایجاد بیماری وبا می‌شود. به دنبال خوردن مواد آلوده به این باکتری، باکتری در روده باریک میزبان شروع به کلونیزاسیون و تولید انتروتوکسین می‌کند. یکی از مهمترین عوامل بیماری‌زای باکتری پیلای (TCP) است. این پیلای به عنوان اولین فاکتور در کلونیزاسیون و تداوم باکتری‌ها در روده کوچک مورد نیاز است. باکتری پیلای هم-تنظیم شونده با توکسین به صورت پیلای تشکیل دهنده دسته‌ای است که به شکل هماهنگ با توکسین کلرا (CT) تنظیم می‌شود. توکسین کلره به عنوان بخشی از ژنوم باکتریوفاژ رشته‌ای (CTXQ) است، به طوری که این باکتریوفاژ از پیلای هم-تنظیم شونده با توکسین به عنوان گیرنده خود استفاده می‌کند. هدف از این مطالعه تولید یک واکسن نوترکیب برای ویبریو کله در آینده است.

روش: در این مطالعه ژن tcpB با روش PCR تولید شد. سپس به داخل وکتور بیانی pET32 a وارد گردید. سلول‌های مستعد (E.coli. BL21(DE3) plays) به وسیله پلاسمید نوترکیب tcpB-pET32 a ترانسفورم گردید. سپس در محیط‌های کشت متفاوت با تغییر دادن پارامترهایی مثل گلوکز به عنوان منبع کربن، عصاره مخمر به عنوان منبع نیتروژن، بیان پروتئین با استفاده از IPTG انجام شد. پروتئین نوترکیب به وسیله کروماتوگرافی تمایلی Ni-NTA تخلیص گردید. در نهایت میزان پروتئین خالص شده با استفاده از روش براد فورد اندازه گیری شد. یافته‌ها: نتایج تعیین تسالی با روش سنجر نشان داد که تسالی ژن شباهت کامل با ژن tcpB دارد. باکتری E.coli, BL21(DE3), plysS به وسیله pET32a-tcpB ترانسفورم شد و بیان ژن به وسیله IPTG صورت گرفت. پروتئین بیان شده توسط کروماتوگرافی تمایلی و به وسیله کیت Ni-NTA تخلیص گردید. نتیجه گیری: تولید پروتئین نوترکیب tcpB و ویبریو کله در سیتوپلاسم باکتری اشریشیا کلی با استفاده از پلاسمید بیانی pET32a انجام گرفت. تولید این پروتئین در میزبان اشریشیا کلی سویه plysS با استفاده از وکتورهای بیانی مثل pET 32a در این مطالعه امکان پذیر است.

واژه‌های کلیدی: پیلای، ویبریو کله، واکنش زنجیره‌ای پلی‌مراز، پروتئین نوترکیب، اشریشیا کلی

۱- دانشجوی دوره کارشناسی ارشد باکتری‌شناسی، دانشگاه علوم پزشکی اراک ۲- دانشیار گروه میکروبی‌شناسی و ایمنی‌شناسی، دانشگاه علوم پزشکی اراک ۳- دانشیار، مرکز تحقیقات پزشکی و مولکولی، دانشگاه علوم پزشکی اراک ۴- دانشیار گروه میکروبی‌شناسی، دانشگاه علوم پزشکی همدان

* نویسنده مسؤل، آدرس پست الکترونیک: abtahi@arakmu.ac.ir

دریافت مقاله: ۱۳۹۰/۷/۳۰ دریافت مقاله اصلاح شده: ۱۳۹۰/۱۰/۲۸ پذیرش مقاله: ۱۳۹۰/۱۲/۱۴

مقدمه

وبا یک بیماری عفونی شدید و گاهی کشنده است که به وسیله باکتری گرم منفی ویبریوکلره ایجاد می گردد. این باکتری می تواند مشکلات سلامتی عمده ای را در بخش های مختلفی از دنیای امروز ایجاد کند (۱). در حدود ۲۰۰ سروتیپ از ویبریوکلره شناخته شده که تنها دو سروتیپ O1 و O139 با همه گیری وبا ارتباط دارد (۲). چندین ویبریوکلره غیر از O1 و O139 وجود دارد که توانایی کد کردن بسیاری از فاکتورهای بیماری زای ویبریوکلره که عامل وبای همه گیر هستند را دارند. بعد از خوردن غذا یا آشامیدن آب آلوده به ویبریوکلره باکتری در داخل روده کوچک کلونیزه می شود؛ برای این کلونیزاسیون وجود پیلی نوع چهارمی به نام پیلی هم-تنظیم شونده با توکسین tcp (toxin co regulated of pilus) ضروری است. این پروتئین توالی مشابهی با دیگر پیلی های نوع چهارم مربوط به باکتری های روده ای دارد (۳). پیلی تیپ چهار دارای ضمام رشته ای است که در تعدادی از باکتری های گرم منفی بیان می شود. این تقسیم بندی بر اساس شباهتی که در بین توالی N-ترمینال آب گریز پیلی بالغ و باقی مانده N-ترمینال متیله شده پیلی بالغ دیده می شود انجام شده است (۴-۶). دو زیر کلاس از پیلی تیپ چهار به نام 4A و 4B یافت شده است. پیلی هم تنظیم شونده با توکسین در دسته 4B قرار می گیرد (۷). Tcp به عنوان یک پروتئین مهم به منظور کلونیزاسیون در روده کوچک بسیار ضروری است و به محض کلونیزاسیون باکتری ویبریوکلره شروع به تولید توکسین می کند، این سم از یک زیر واحد A و پنج زیر واحد B تشکیل شده است. توکسین کلرا به صورت بخشی از ژنوم باکتریوفاژ به نام CTXQ است؛ به طوری که این باکتریوفاژ از TCP به عنوان گیرنده خود استفاده می کند (۸). نقش این پیلی در ایجاد شکل بیماری زای ویبریوکلره بسیار پیچیده و ضروری است و شکل های جهش یافته این پروتئین قادر به کلونیزاسیون در روده کوچک انسان و

موش نیستند (۳). پروتئین TCP پلی مری از واحدهای تکراری است، که در میان جزیره بیماری زای ویبریو VPI (V.cholera pathogenicity Island) یافت می شود (۹،۱۰). مقایسه ی تفاوت های ژنتیکی در میان ایزوله های ویبریوکلره نشان می دهد که ناحیه کربوکسیل پروتئین tcp در نواحی در معرض قرار گرفته سطحی این پیلی حالت پلی مریسم دارد (۱۱). این حالت نشان دهنده تفاوت در لوکوس tcp و یا لوکوس های کروموزومی ویبریوکلره در مقایسه با دیگر لوکوس های تشکیل دهنده این نواحی است (۱۱). توالی های tcp، DNA مربوط به گونه های التور O1 و O139 شباهت های زیادی با یکدیگر دارند (۱۲). بنابراین سرم تشکیل شده در برابر این پروتئین باعث ایجاد ایمنی نسبت به این گونه ها می شود. پروتئین tcpB با توجه به داشتن اپی توپ های ایمونوژنیک، کاندیدای بالقوه ای برای توسعه ایمنی ضد کلونیزاسیون بر علیه بیماری وبا محسوب می شود. پروتئین tcpB با وزنی حدود ۶۳/۵ کیلودالتون یکی از اجزای مهم ویبریوکلره است. ژن سازنده این پروتئین دارای ۱۲۹۷ جفت باز است. در این مطالعه به منظور تولید این پروتئین از سویه E.coli, BL21(DE3), plysS باکتری اشرشیا کلی استفاده شده است. تولید پروتئین tcpB به صورت نوترکیب منجر به انجام مطالعات بیشتر در زمینه ایمنی زایی آن خواهد شد.

روش بررسی

تولید پروتئین نوترکیب tcpB یک مطالعه بنیادی-کاربردی است. باکتری های مورد استفاده در این تحقیق شامل: ویبریو کلرا سویه اینابا تهیه شده از انستیتو پاستور ایران، اشریشیا کلی سویه DH5α و اشریشیا کلی سویه E. coli, BL21(DE3), plysS است، که از مرکز ملی تحقیقات ژنتیک و تکنولوژی زیستی تهیه شد. به منظور کلونینگ و تولید پروتئین tcpB از پلاسمید pET32a استفاده شد. پلاسمید ذکر شده از مرکز ملی مهندسی ژنتیک و تکنولوژی زیستی

متشکل از سی سیکل که هر سیکل شامل: دناتوراسیون (۹۴ درجه سانتی گراد به مدت یک دقیقه)، اتصال پرایمرها به DNA الگو (۶۴ درجه سانتی گراد به مدت یک دقیقه)، تکثیر ژن هدف (۷۲ درجه سانتی گراد به مدت یک دقیقه) انجام شد. مرحله تکثیر نهایی در ۷۲ درجه سانتی گراد به مدت ۵ دقیقه در نظر گرفته شد. بررسی نهایی محصول PCR با الکتروفورز بر روی ژل آگارز ۱٪ در بافر تریس-اسید بوریک-EDTA (TBE) انجام گرفت. بررسی نتیجه الکتروفورز از طریق از رنگ آمیزی با محلول اتیدیوم بروماید، مشاهده آن با دستگاه ترانس لومیناتور UV انجام گرفت. تخلیص محصول PCR با استفاده از کیت تخلیص تهیه شده از شرکت رش (Roche) بر اساس دستورالعمل شرکت سازنده انجام گرفت. کلون سازی ژن tcpB در پلاسمید pET32a به ترتیب زیر انجام شد: ابتدا محصول PCR با آنزیم های BamHI و sacI برش داده شد و سپس در ناقل ذکر شده وارد گردید. پلاسمید فوق نیز با همین آنزیم ها برش داده شد. عمل اتصال ژن tcpB در این پلاسمید با استفاده از آنزیم T4 DNA ligase در حرارت ۱۶ درجه سانتی گراد به مدت یک شبانه روز انجام گرفت. پلاسمید tcpB - pET32a به ترتیب در سلول های مستعد اشریشیا کلی سویه DH5a و سویه plyS وارد شد. برای تأیید صحت ترادف نوکلئوتید ژن به دست آمده از محصول PCR ساختار پلاسمیدی pET32a-tcpB به شرکت ژن فن آوران ارسال گردید. به منظور تولید پروتئین tcpB، پلاسمید pET32a-tcpB به سویه plyS اشریشیا کلی وارد شد و به مدت یک شبانه روز در محیط برات مغذی کشت داد شد و در حرارت ۳۷°C بر روی شیکر با حداقل ۱۷۰ دور قرار گرفت. پس از اینکه تعداد باکتری ها به حد مناسب رسید (OD 0.6) محلول یک میلی مولار IPTG به سوسپانسیون باکتری به اندازه ای اضافه گردید که غلظت نهایی IPTG به یک میلی مولار برسد. چهار ساعت پس از افزودن IPTG رسوب باکتری ها با سانتریفیوژ در ۴۰۰۰ RPM به مدت نیم ساعت به دست

تهیه گردید. تخلیص کروموزوم ویبریو کلره بر اساس روش CTAB/NaCl انجام گرفت. در این روش ابتدا ویبریو کلره در محیط برات مغذی (Nutrient broth) در دمای ۳۷ درجه سانتی گراد و ۵ درصد گاز CO2 کشت داده شد. رسوب به دست آمده از سوسپانسیون کشت باکتری در بافر TE (Tris 10mM, EDTA 1 mM, pH 8) حل شد و سلول باکتری ها توسط سدیم دو سیل سولفات (SDS) و آنزیم پروتئیناز K لیز گردید. کروموزوم باکتری با استفاده از محلول CTAB/NaCl (CTAB 10% و NaCl 0.7 M) استخراج شد. پروتئین ها و سایر اجزای سلولی با استفاده از مخلوط فیل / کلروفرم / ایزوآمیل الکل به نسبت ۲۵/۲۴/۱ برداشت گردید. DNA به دست آمده با استفاده از الکل ایزوپروپانول رسوب داده شد و سپس توسط اتانول ۷۰ درصد شستشو گردید. کیفیت DNA با استفاده از الکتروفورز در ژل آگارز ۰/۸ درصد در بافر TBE مورد بررسی قرار گرفت. مقدار DNA تخلیص شده با اندازه گیری جذب نور در طول موج های ۲۶۰ و ۲۸۰ نانومتر به دست آمد.

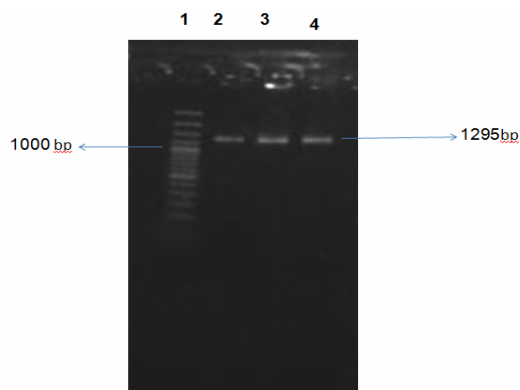
با استفاده از ترادف ژن tcpB طراحی پرایمرهای جلو (Forward) و عقب (Reverse) انجام شد:

Forward: 5' TCG AGC TCA TGA GAA AAT ACC AA 3'

Reverse: 5' ACT CGA GAT TTT CAC ACC ATT GA 3'

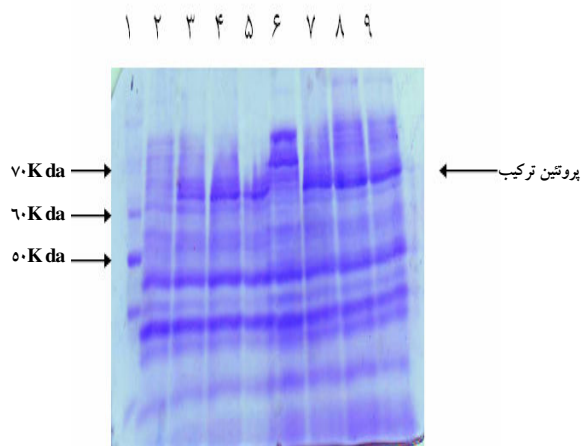
پرایمر جلو دارای ترادف لازم برای شناسایی و برش توسط آنزیم BamHI و پرایمر عقب دارای ترادف لازم برای شناسایی و برش توسط آنزیم sacI است. تکثیر ژن tcpB با استفاده از تکنیک PCR در حجم نهایی ۵۰ میکرولیتر انجام گرفت. غلظت عوامل PCR به قرار: ۵۰۰ نانوگرم از DNA الگو، یک میلی مولار از هر پرایمر، ۳ میلی مولار از یون منیزیم، ۲۰۰ میلی مولار از هر دزوکسی نوکلئوزید تری فسفات، ۲/۵ واحد از آنزیم Taq DNA Polymerase و بافر 10X PCR لحاظ گردید. برنامه استفاده شده برای PCR به صورت: دمای اولیه در ۹۴ درجه سانتی گراد به مدت ۵ دقیقه (یک سیکل)، مرحله دوم PCR

به پروتئین مورد نظر اضافه می کند. (وزن خالص مولکولی پروتئین tcpB در حدود ۴۹/۵kD می باشد.) به نظر می رسد پروتئین نو ترکیب tcpB آنتی ژن مهمی برای روش های سرولوژیکی در تشخیص بیماری وبا باشد.



شکل ۱: تکثیر ژن tcpB توسط PCR تکثیر ژن tcpB ستون ۱:

مارکر (Fermentas) SM0321# ستون ۲، ۳، ۴: محصول ژن PCR



شکل ۲. القای پروتئین tcpB

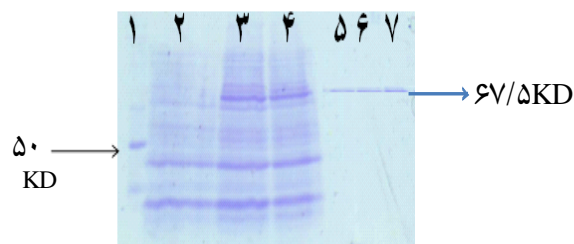
جایگاه شماره ۱: مارکر (SM0661)، جایگاه شماره ۲: نمونه پروتئین قبل از القاء در محیط برات مغذی بدون گلوکز، جایگاه شماره ۳: نمونه پروتئین بعد از القاء در محیط برات مغذی بدون گلوکز بعد از ۲ ساعت، جایگاه شماره ۴: نمونه پروتئین بعد از القاء در محیط برات مغذی بدون گلوکز بعد از ۴ ساعت، جایگاه شماره ۵: نمونه پروتئین بعد از القاء در محیط برات مغذی بدون گلوکز بعد از ۶ ساعت، جایگاه شماره ۶: نمونه پروتئین قبل از القاء در محیط القاء بدون گلوکز، جایگاه شماره ۷: نمونه پروتئین بعد از القاء در محیط برات مغذی بدون گلوکز بعد از ۲ ساعت، جایگاه شماره ۸: نمونه پروتئین بعد از القاء در محیط القاء بدون گلوکز بعد از ۴ ساعت، جایگاه شماره ۹: نمونه پروتئین بعد از القاء در محیط القاء بدون گلوکز بعد از ۶ ساعت

آمد. برای بررسی نتیجه القاء از الکتروفورز رسوب باکتری بر روی ژل ۱۲ درصد SDS-PAGE استفاده گردید. تخلیص پروتئین با استفاده از کیت Ni-NTA بر اساس دستورالعمل شرکت سازنده (کیاژن) انجام گرفت. میزان پروتئین خالص شده با استفاده از روش برادفورد اندازه گیری گردید و کیفیت آن نیز با استفاده از الکتروفورز پروتئین بر روی ژل ۱۲ درصد SDS-PAGE بررسی شد.

نتایج

غلظت DNA کروموزومی به دست آمده از باکتری ویبریوکلره ۵۰۰ µg/ml برآورد گردید. کروموزوم از باکتری ویبریوکلره تخلیص شد و به عنوان الگو برای تکثیر ژن tcpB مورد استفاده قرار گرفت. اندازه قطعه ژن تکثیر یافته توسط PCR در مقایسه با مارکر برابر ۱۲۹۷ جفت باز بود (شکل ۱). به منظور تأیید ژن تکثیر یافته و نیز بررسی پرایمرهای طراحی شده، پلاسمید حاوی ژن مورد نظر به شرکت ژن فن آوران ارسال گردید. نتایج نشان داد که محصول PCR شباهت زیادی با ژن مربوطه دارد. در این مطالعه با استفاده از باکتری E. coli, BL21(DE3), plysS پروتئین tcpB در محیط های القای مختلف مورد ارزیابی قرار گرفت (شکل ۲). پروتئین مورد نظر در محیط های مختلف نتایج تقریباً مشابهی را نشان داد. پروتئین tcpB با وزن مولکولی ۶۳/۵ KD در محیط القای مناسب، به وسیله کیت Ni-NTA تخلیص شد (شکل ۳). باکتری E. coli, BL21(DE3), plysS به علت نداشتن برخی از آنزیم های پروتئاز قادر است میزان بالایی از پروتئین را بیان کند. با به کارگیری سیستم pET به عنوان یکی از قدرتمندترین و کتورهای بیانی، پروتئین tcpB تولید گردید. وکتور بیانی pET دارای یک منشأ همانندسازی F1 و پروموتور T7 Lac است، که با به کارگیری IPTG پروتئین مربوطه القاء شد. وکتور بیانی pET-32a دارای توالی های پروتئینی ویژه ای است که شامل T7-tag و 6xHis-tag بوده و وزن مولکولی در حدود 13Kd را

پروتئین tcpB بر خلاف سایر پروتئین‌های تشکیل دهنده این پیلی تاکنون مورد بررسی قرار نگرفته است و می‌توان گفت این کار برای اولین بار انجام شد. مطالعاتی که توسط شمس الزمان و همکاران انجام شده نشان داده افرادی که در مرحله نقاهت بیماری وبا قرار دارند نه تنها می‌توانند پاسخ‌های شدیدی نسبت به TCPA ایجاد کنند، بلکه قادر به تولید آنتی‌بادی نسبت به زیرواحد توکسین کلرا و لیوپلی ساکارید مربوط به گونه‌های عفونت‌زا هستند (۱۳). طی بررسی دیگری نشان داده شده که پروتئین TCP در هر دو بیوتیپ التور و کلاسیک بیان می‌شود، به طوری که این پروتئین در این دو بیوتیپ دارای تشابهات ژنتیکی است (۱۴). در پی تایید این شباهت ژنتیکی توسط محققان دیگر نشان داده شد که بیماران آلوده شده با بیوتیپ کلاسیک و در عین حال بیماران آلوده شده با بیوتیپ التور تغییرات سرمی بسیار کمی را نشان می‌دهند؛ به طوری که پروتئین tcpA در این دو بیوتیپ، توالی‌های آمینو اسیدی مشابهی در حدود ۸۰٪ با یکدیگر دارند (۱۵). اثبات بیماری‌زایی پروتئین tcp طی مطالعاتی صورت پذیرفت که نشان داد، در سویه‌های ویبریوکلره که ژن پیلی هم-تنظیم‌شونده با توکسین آن‌ها دچار جهش شده باشد، این باکتری‌ها قادر به کلونیزاسیون در روده کوچک انسان و موش نیستند (۱۶). با توجه به اهمیت و ضرورت عملکرد tcpB در بیماری‌زایی ویبریوکلره بر آن شدیم که با تولید این پروتئین گامی مؤثر در زمینه ایمنی‌زایی و طراحی واکسن در مطالعات بعدی برداریم. در مطالعه حاضر، پروتئین TcpB در باکتری اشرشیاکلی سویه plyS بیان شد. وزن مولکولی پروتئین الحاقی His-tagged در حدود ۱۳ کیلو دالتون است، که این توالی پروتئینی در پلاسمید pET-32a که در این تحقیق برای تولید پروتئین نوترکیب tcpB استفاده گردیده است به ابتدای این پروتئین اضافه شد. بنابراین وزن پروتئین تولید شده در حدود ۶۳/۵ کیلو دالتون است. پروتئین tcpB تحت کنترل اپراتور Lac تولید شد (۱۷).



شکل ۳. تخلیص پروتئین tcpB

تصویر ژل بالا الگوی مربوط به محیط‌های القاء به کار برده شده مختلف را نشان می‌دهد. جایگاه شماره ۱: مارکر (SM0661 #، Fermentas) جایگاه شماره ۲: نمونه پروتئین قبل از القاء در محیط براث مغذی بدون گلوکز جایگاه شماره ۳: نمونه پروتئین القاء شده در محیط براث مغذی بدون گلوکز جایگاه شماره ۴: نمونه پروتئین تخلیص شده

بحث

در این مطالعه ژن پیلی هم-تنظیم‌شونده با توکسین B به وسیله PCR جدا شد. با به کارگیری وکتور بیانی pET32a پروتئین tcpB با وزن مولکولی ۶۳/۵ کیلو دالتون تخلیص گردید. تخلیص پروتئین مربوطه در محیط‌های القاء مختلف نتایج تقریباً یکسانی را نشان داد. اما با توجه به این که گلوکز شرایط باز دارنده‌ای را برای سیستم pET ایجاد می‌کند، از محیط‌های بدون گلوکز برای بیان پروتئین tcpB استفاده شد. یکی از عوامل مهم بیماری‌زایی ویبریوکلره میزان چسبندگی این باکتری به روده کوچک است. عامل چسبندگی باکتری پیلی است، که به عنوان یکی از عوامل مهم فاکتورهای ویرولانسی در ویبریوکلره محسوب می‌شود. ژن پیلی هم-تنظیم‌شونده با توکسین از پانزده زیرواحد از جمله tcpA, tcpB, tcpG تشکیل شده است؛ تاکنون مطالعات متنوعی بر روی این ژن‌ها صورت گرفته است. ژن tcpB به عنوان جزئی از زیرواحد بزرگ پیلی هم-تنظیم‌شونده با توکسین است، که تا اندازه‌ای میانکنش خاصی میان این پروتئین با پروتئین tcpA وجود دارد (۱۳). با توجه به اینکه پروتئین tcpB نیز همانند tcpA در تشکیل زیر واحد بزرگ پیلی شرکت دارد، در مطالعه حاضر تخلیص و بیان این پروتئین مورد ارزیابی قرار گرفت.

نتیجه گیری

این تحقیق نشان می‌دهد وکتورهای مثل pET32a که دارای یک پروموتور قوی T7 لاکتوز هستند، به علت دارا بودن پروتئین‌های الحاقی با وزن مولکولی پایین قادرند بدون تأثیر بر عملکرد پروتئین در داخل باکتری میزبان E-coli پایداری لازم را ایجاد کنند.

سپاسگزاری

بدینوسیله از ریاست محترم مرکز تحقیقات و معاونت آموزش و تحقیقات دانشگاه علوم پزشکی اراک به لحاظ تأمین اعتبار این طرح قدردانی می‌شود.

در وکتور بیانی pET32a استقلال سیستم رونویسی ژن از سلول میزبان، تولید mRNA و در نهایت تولید پروتئین در سیستم بیان ژن از عوامل سلولی دخیل در سنتز پروتئین، علت تولید محصول زیاد در این سیستم نسبت به سیستم‌هایی است که وابسته به پلیمرزهای سلول میزبان هستند (۱۷). این پروتئین توانست پایداری خود را در فضای سیتوپلاسمی باکتری E.coli به واسطه پروتئین‌های الحاقی حفظ کند. اتصال پروتئین‌های الحاقی به پروتئین tcpB مانع تخریب پروتئین نوترکیب tcpB توسط پروتئازهای داخل سلولی باکتری مانند DegP و HtpR در E.coli شد. به دلیل اهمیت بیماری‌زایی پروتئین مورد نظر (tcpB) هدف این مطالعه تولید واکسن‌های کاملاً مؤثر و همچنین فراهم آوردن ایمنی مناسب در برابر کلونیزاسیون ویبریوکلره در روده است.

References

1. Klose KE. Regulation of virulence in *Vibrio cholerae*. *Int J Med Microbiol* 2001; 291(2): 81-8.
2. Ramamurthy T, Yamasaki S, Takeda Y, Nair GB. *Vibrio cholerae* O139 Bengal: odyssey of a fortuitous variant. *Microbes Infect* 2003; 5(4):329-44.
3. Pal BB, Khuntia HK, Samal SK, Kar SK, Patnaik B. Epidemics of severe cholera caused by EI Tor *Vibrio cholerae* O1 Ogawa possessing the ctxB gene of the classical biotype in Orissa, India. *Int J Infect Dis* 2010; 14(5):e384-9.
4. Cleary J, Lai LC, Shaw RK, Straatman-Iwanowska A, Donnenberg MS, Frankel G, et al. Enteropathogenic *Escherichia coli* (EPEC) adhesion to intestinal epithelial cells: role of bundle-forming pili (BFP), EspA filaments and intimin. *Microbiology*. 2004; 150(Pt 3): 527-38.
5. Nudleman E, Kaiser D. Pulling together with type IV pili. *J Mol Microbiol Biotechnol* 2004; 7(1-2):52-62.
6. Bertrand JJ, West JT, Engel JN. Genetic analysis of the regulation of type IV pilus function by the Chp chemosensory system of *Pseudomonas aeruginosa*. *J Bacteriol* 2010; 192(4): 994-1010.
7. Nandi B, Nandy RK, Vicente AC, Ghose AC. Molecular characterization of a new variant of toxin-coregulated pilus protein (TcpA) in a toxigenic non-O1/Non-O139 strain of *Vibrio cholerae*. *Infect Immun* 2000; 68(2):948-52.
8. Davis BM, Waldor MK. Filamentous phages linked to virulence of *Vibrio cholerae*. *Curr Opin Microbiol* 2003; 6(1): 35-42.
9. Chaparro AP, Ali SK, Klose KE. The ToxT-dependent methyl-accepting chemoreceptors AcfB and TcpI contribute

- to *Vibrio cholerae* intestinal colonization. *FEMS Microbiol Lett* 2010; 302(2): 99-105.
10. Sarkar A, Nandy RK, Nair GB, Ghose AC. *Vibrio* pathogenicity island and cholera toxin genetic element-associated virulence genes and their expression in non-O1 non-O139 strains of *Vibrio cholerae*. *Infect Immun* 2002; 70(8): 4735-42.
 11. Li M, Kotetishvili M, Chen Y, Sozhamannan S. Comparative genomic analyses of the *vibrio* pathogenicity island and cholera toxin prophage regions in nonepidemic serogroup strains of *Vibrio cholerae*. *Appl Environ Microbiol* 2003; 69(3):1728-38.
 12. Boyd EF, Waldor MK. Evolutionary and functional analyses of variants of the toxin-coregulated pilus protein TcpA from toxigenic *Vibrio cholerae* non-O1/non-O139 serogroup isolates. *Microbiology* 2002; 148(Pt 6):1655-66.
 13. Shamsuzzaman S, Ahmed T, Mannoor K, Begum YA, Bardhan PK, Sack RB, et al. Robust gut associated vaccine-specific antibody-secreting cell responses are detected at the mucosal surface of Bangladeshi subjects after immunization with an oral killed bivalent *V. cholerae* O1/O139 whole cell cholera vaccine: comparison with other mucosal and systemic responses. *Vaccine* 2009; 27(9): 1386-92.
 14. Qadri F, Chowdhury MI, Faruque SM, Salam MA, Ahmed T, Begum YA, et al. Peru-15, a live attenuated oral cholera vaccine, is safe and immunogenic in Bangladeshi toddlers and infants. *Vaccine* 2007; 25(2):231-8.
 15. Hulbert RR, Taylor RK. Mechanism of ToxT-dependent transcriptional activation at the *Vibrio cholerae* tcpA promoter. *J Bacteriol* 2002; 184(20): 5533-44.
 16. Peterson KM. Expression of *Vibrio cholerae* virulence genes in response to environmental signals. *Curr Issues Intest Microbiol* 2002; 3(2):29-38.
 17. Pedro L.S. Thrombolysis with recombinant streptokinase in Cuba. *BMJ*. 2003. 326(7386): 445-9.

Expression of Recombinant Protein B Subunit Pili from *Vibrio Cholera*

Kiaie S., B.Sc.¹, Abtahi H., Ph.D.^{2,3*}, Mosayebi G., Ph.D.^{2,3}, Alikhany M., Ph.D.⁴

1. Postgraduate Student of Bacteriology, Arak University of Medical Sciences, Arak, Iran
2. Associate professor, Microbiology and Immunology Department, Arak University of Medical Sciences, Arak, Iran
3. Associate professor, Molecular and Medicine Research Center, Arak University of Medical Sciences, Arak, Iran
4. Associate professor, Microbiology Department, Hamedan University of Medical Sciences, Hamedan, Iran

* Corresponding author; e-mail: abtahi@arakmu.ac.ir

(Received: 21 Oct. 2011 Accepted: 4 March 2012)

Abstract

Background & Aims: *Vibrio cholerae* is a gram-negative bacterial pathogen that causes cholera disease. Following ingestion by a host and entry into the upper intestine, *V. cholera* colonizes and begins to emit enterotoxin. One of the most pathogenic factors of *Vibrio cholera* is toxin-coregulated pili (TCP). Toxin-Coregulated pili is as the primary factor required for the colonization and insistence of bacteria in the small intestine. The toxin-coregulated pili are bundle-forming pili that are coordinately regulated with cholerae toxin (CT). The CT operon is part of the genome of the cholera toxin bacteriophage (CTXQ) which utilizes TCP as its receptor. The aim of this study is to produce a recombinant vaccine for *V. cholerae* in the future.

Methods: The tcpB gene was amplified by Polymerase chain reaction (PCR) method and subcloned into pET32a expression vector. *Escherichia coli* BL21 (DE3) plysS competent cells were transformed by pET32a - tcpB recombinant plasmid. In different media with changing the parameters of nutrient content like glucose as carbon source and yeast extract as nitrogen source, protein expression was induced by using IPTG. Recombinant protein were purified by affinity chromatography (Ni-NTA). The concentration of Recombinant proteins measured according to Bradford assay.

Results: The sequencing results by Sanger method showed a similar sequence as tcpB gene. *Escherichia coli* BL21 plysS was transformed with TCPB-pET32a and gene expression was induced by IPTG. The expressed protein was purified by affinity chromatography and Ni-NTA kit.

Conclusion: Recombinant protein tcpB was produced in the cytoplasm of *Escherichia coli* BL21 plysS, by pET32a expression vector. Therefore, utilization of this protein in *Escherichia coli* BL21 plysS by expression vectors such as pET32a is possible.

Keyword: pili, *Vibrio cholerae*, Polymerase chain reaction (PCR), Recombinant proteins, *Escherichia coli*