

فراوانی سویه‌های سرزای کلستریدیوم دیفیسیل در بیماران بستری مبتلا به اسهال در تهران به روش PCR در سال ۱۳۸۹

امید عزیزی^۱، محمد مهدی اصلانی^{۲*}، معصومه عظیمی راد^۳، مسعود آل بویه^۴، سید فضل الله موسوی^۵، محمدرضا زالی^۶

خلاصه

مقدمه: کلستریدیوم دیفیسیل عامل اسهال ناشی از مصرف آنتی بیوتیک، کولیت غشای کاذب و همچنین اسهال بیمارستانی است. هدف از این بررسی تعیین فراوانی سویه‌های توکسین‌زای کلستریدیوم دیفیسیل در نمونه‌های اسهالی می‌باشد. روش: این بررسی بر روی ۹۸ نمونه مدفوع بیماران بستری مشکوک به عفونت کلستریدیوم دیفیسیل در بیمارستان‌های تهران از مرداد تا آذر ماه ۱۳۸۹ انجام شد. پس از کشت نمونه‌ها بر روی محیط (Cefoxitincycloserine fructose agar) CCFA و جداسازی کلونی‌های مشکوک، استخراج DNA صورت گرفت. با استفاده از پرایمر عمومی سویه‌های کلستریدیوم دیفیسیل شناسایی شد و پس از آن PCR برای دو ژن توکسین A و B، انجام شد. یافته‌ها: از میان ۹۸ نمونه بررسی شده، در مجموع ۳۹ نمونه مثبت کلستریدیوم دیفیسیل به دست آمد. از این تعداد ۱۵ سویه (۱۵/۳٪) کلستریدیوم دیفیسیل توکسین‌زا تشخیص داده شدند. از این بین، ۱۲ سویه (۱۲/۲٪) دارای توکسین A+B+، ۲ سویه (۲٪) دارای توکسین A+B- و ۱ سویه (۱٪) دارای توکسین A-B⁺ بودند. نتیجه‌گیری: این مطالعه نشان داد که کلستریدیوم دیفیسیل عامل تعدادی از اسهال‌های بیمارستانی می‌باشد و آزمایشگاه‌ها باید به طور روتین آزمایش تشخیص کلستریدیوم دیفیسیل را در تشخیص نمونه‌های مشکوک به کار گیرند. واژه‌های کلیدی: کلستریدیوم دیفیسیل، کولیت غشای کاذب، اسهال بیمارستانی، آنتی بیوتیک

۱. کارشناس ارشد، بخش میکروب‌شناسی، انستیتو پاستور ایران ۲. استاد، گروه میکروب‌شناسی، انستیتو پاستور ایران ۳. کارشناس علوم آزمایشگاهی، مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی ۴. استادیار میکروب‌شناسی، مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی ۵. استادیار، گروه میکروب‌شناسی، انستیتو پاستور ایران ۶. استاد، مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی

* نویسنده مسؤل، آدرس پست الکترونیک: mmaslani@yahoo.com

دریافت مقاله: ۱۳۹۰/۱۱/۱۰ دریافت مقاله اصلاح شده: ۱۳۹۱/۶/۱۹ پذیرش مقاله: ۱۳۹۱/۸/۱۷

مقدمه

کلستریدیوم دیفیسیل اولین بار در سال ۱۹۳۵ در نمونه مدفوع نوزادان تازه متولد شده و سالم که فاقد علائم گوارشی خاصی بودند شناسایی شد (۱). این باکتری یک باسیل گرم مثبت به طول ۵- میکرومتر است که در رنگ آمیزی گرم به صورت میله‌ای بلند با اسپور نزدیک به انتها رنگ می‌گیرد (۲). این باکتری عامل بیشتر موارد اسهال ناشی از مصرف آنتی‌بیوتیک (Antibiotic associated diarrhea: AAD) و تقریباً تمام موارد کولیت باغشای کاذب (Pseudomembranous colitis: PMC) است. همچنین یکی از شایع‌ترین عوامل اسهال بیمارستانی و عفونت‌های بی‌هوازی است. عفونت این باکتری محدود به دستگاه گوارش نیست و موارد اندک خارج روده‌ای نیز گزارش شده است (۳). چون سد دفاعی میکروفلور مانع از کلونیزاسیون کلستریدیوم دیفیسیل می‌شود، مصرف آنتی‌بیوتیک‌های گوناگونی مستعدکننده شرایط ابتلا به کلستریدیوم دیفیسیل هستند. مسیر تجویز آنتی‌بیوتیک، تعداد دفعات مصرف و محتوای میکروفلور گوارشی در این استعداد ابتلا نقش دارند (۴). عوامل مساعد کننده‌ای مانند جراحی عمومی، سرطان، بیماری‌های مزمن کلیوی و یا بستری شدن در بیمارستان و مصرف آنتی‌بیوتیک در ایجاد بیماری نقش دارند. این ارگانیزم در مدفوع بیماران بستری شده وجود دارد لذا محیط بیمارستان از آلودگی بالایی برخوردار بوده و یک باکتری کسب شونده از بیمارستان محسوب می‌شود (۵). میزان بروز AAD بسته به نوع آنتی‌بیوتیک مورد استفاده از ۵ تا ۳۹ درصد متغیر می‌باشد. کلستریدیوم دیفیسیل عامل تقریباً ۲۵ درصد اسهال‌های همراه با تجویز آنتی‌بیوتیک و تقریباً تمام موارد کولیت باغشای کاذب مرتبط با مصرف آنتی‌بیوتیک است. بیماری ناشی از کلستریدیوم دیفیسیل تقریباً همیشه و در بیشتر موارد مرتبط با مصرف آنتی‌بیوتیک بوده و در بیمارستان و بیماران مسن دیده می‌شود (۶).

از سال ۱۹۹۱ تا ۲۰۰۳ در آمریکا افزایش ده برابری شیوع بیماری در گروه‌های سنی بالای ۶۵ سال و افزایش ابتلا به مگا کولون توکسیک گزارش شده است. مرگ و

میر طی دوره ۳۰ روزه از ۴/۷ به ۱۳/۸ درصد رسیده است. در سال ۲۰۰۶ شیوع عفونت کلستریدیوم دیفیسیل (CDI: C. difficile infection) در آمریکا، از رقمی کمتر از ۱۵۰ هزار نفر در سال به بیش از ۳۰۰ هزار نفر رسید. شیوع عفونت در آلمان از ۱/۷ به ۳/۸ مورد از هر ۱۰۰ هزار نفر در سال ۲۰۰۲ به ۱۴/۸ مورد در سال ۲۰۰۶ رسیده است (۷).

کلستریدیوم دیفیسیل دو توکسین مهم به نام A و B تولید می‌کند. این توکسین‌ها نقش اصلی در ویرولانسی باکتری و سهم مهمی در بیماری‌زایی باکتری دارند. توکسین A متشکل از ۲۷۱۰ آمینواسید (308kDa) و توکسین B متشکل از ۲۳۶۶ آمینواسید (270kDa) می‌باشد. ژن توکسین A (tcdA) و ژن توکسین B (tcdB) در فاصله نزدیکی به هم روی کروموزوم و در ناحیه‌ای به نام لوکوس بیماری‌زایی (Pathogenicity locus: PaLoc) قرار دارند. سویه‌های غیر توکسین‌زا فاقد این ژن‌ها هستند (۸).

توکسین A دارای خاصیت اتروتوکسینی و توکسین B دارای خاصیت سایتوتوکسینی است (۹). هر دو برای موش کشنده‌اند اما توکسین A از این نظر، حدود ۴۰۰-۵۰ برابر سمیت بیشتری دارد (۱۰). مطالعات اخیر نشان داده‌اند که هر دو توکسین فعالیت اتروتوکسینی مشابهی دارند. توکسین B در انسان قدرت بیماری‌زایی بالاتری دارد. هر دو توکسین mono-O-glucosyltransferase بوده و پروتئین‌های خانواده Rho متصل شونده به GTP را تغییر می‌دهند. پروتئین‌های Rho تغییرات القا شده خارج سلولی در حرکت، مرفولوژی و قطبیت سلول را تنظیم می‌کنند. توکسین‌های A و B تمام Rho GTPase‌ها شامل RhoA، Rac و Cdc42 را گلوکوزیله می‌کنند (۱۱).

روش‌های لاتکس آگلوتیناسیون جهت شناسایی آنتی‌ژن‌های کلستریدیوم دیفیسیل، تشخیص توکسین B (سیتوتوکسین) از طریق کشت سلولی، کانترایمونوالکتروفورز جهت تشخیص توکسین‌ها یا آنتی‌ژن‌های اختصاصی کلستریدیوم دیفیسیل در فیلتره مدفوع، آنزیم ایمنواسی (EIA) در تشخیص توکسین‌های کلستریدیوم دیفیسیل در نمونه‌های مدفوع،

دمای ۴ درجه سانتی گراد نگهداری می شدند. همچنین اگر کشت و یا تعیین توکسین های باکتری تأخیری چند روزه و یا بیشتر وجود داشت، نمونه های مدفوع در دمای ۲۰- درجه سانتی گراد نگهداری می شدند.

در این مطالعه برای تیمار نمونه ها در یک لوله آزمایش ۵۰۰ میکرو لیتر محیط عصاره مخمر extract 5% Yeast extract به عنوان یک محیط غنی کننده و در لوله دیگر ۵۰۰ میکرو لیتر متانول (به منظور کاهش میزان آلودگی فلور باکتریایی در نمونه های مدفوع) ریخته می شد. دو سوپ از مدفوع گرفته شده، سپس هر کدام در لوله ها قرار داده می شد و سپس با دستگاه ورتکس مخلوط می شدند. سوپ عصاره مخمر پس از ۳۰ ثانیه و سوپ موجود در لوله حاوی الکل پس از یک دقیقه (برای از بین بردن سایر باکتری های موجود در مدفوع) روی محیط کلتسریدیوم دیفیسل آگار یا CCFA (Cefoxitin cycloserine fructose agar) کشت داده می شدند. سپس محیط ها داخل جار بیهواری قرار داده شده و با استفاده از گاز پک نوع A (Merck) و یا به کمک دستگاه Anoxomat (Mart, Netherland) شرایط بیهواری در داخل جار فراهم می شد. پس از این مرحله جارها در حرارت ۳۷ درجه سانتی گراد به مدت ۴۸ ساعت انکوبه می شدند. پس از پایان دوره انکوباسیون کلونی های مشکوک به کلتسریدیوم دیفیسیل مورد آزمایش قرار می گرفتند. کلونی های کلتسریدیوم دیفیسیل بر روی محیط CCFA به رنگ سفید تا زرد، به صورت محدب، گرد با حاشیه کاملاً مژرس و با قطر ۳-۱ mm قابل رؤیت هستند. از کلونی های مشکوک، لام تهیه شده و بعد از رنگ آمیزی گرم، مورد بررسی قرار می گرفتند. DNA کلونی های مورد نظر با استفاده از کیت QIA gene استخراج شد و سپس آزمایش PCR برای ژن cdd3 یا ژن Universal برای تشخیص قطعی کلتسریدیوم دیفیسیل استفاده گردید.

برای انجام PCR برای ژن های tcdA, cdd3 و tcdB از پرایمرها (جدول ۱)، برنامه حرارتی (جدول ۲) و Master Mix (جدول ۳) در دستگاه ترموسایکلر (Eppendorf) استفاده شد (۱۵).

ایمنو کروماتوگرافی (روش جدید تشخیص توکسین A در نمونه های مدفوع بر پایه اصول به کار رفته در کیت) و روش های مولکولی مثل PCR در تشخیص کلتسریدیوم دیفیسیل به کار می روند (۱۲).

عفونت کلتسریدیوم دیفیسیل به عنوان یک مشکل عمده در بعضی از بیمارستان ها به ویژه در مراکزی که دارای بخش های شیمی درمانی و یا بیمارانی که نیاز به بستری طولانی دارند، مطرح می باشد (۱۳). در حال حاضر کلتسریدیوم دیفیسیل به عنوان عمومی ترین عامل اسهال بیمارستانی (۳۲٪) در نوزادان ۳-۱ ساله گزارش شده است (۱۴). هدف از این مطالعه تعیین میزان جداسازی کلتسریدیوم دیفیسیل از نمونه های اسهالی با استفاده از روش PCR و بررسی اپیدمیولوژیک اسهال های ناشی از آن در محیط بیمارستان می باشد.

روش بررسی

از ۹۸ نمونه مدفوع بیماران بستری در بیمارستان های تهران (بیمارستان های امام خمینی، آیت الله طالقانی، امام حسین، بوعلی، خاتم الانبیاء، دکتر شریعتی، مسیح دانشوری، علی اصغر، لقمان، مرکز طبی کودکان) که طی مرداد تا آذر ماه ۱۳۸۹ به دپارتمان بیماری های اسهالی منتقله از طریق آب و غذای مرکز تحقیقات گوارش و کبد دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی به عنوان مرکز تشخیص کلتسریدیوم دیفیسیل ارجاع داده شده بودند، استفاده شد. به فرد مراجعه کننده، پرسشنامه ای برای تکمیل مشخصات بیمار به واسطه پرستار و یا پزشک معالج داده می شد. در این پرسش نامه اطلاعاتی مانند نام، سن، بیمارستان محل بستری، بخش و مدت زمان بستری شدن در بیمارستان، مدت زمان شروع اسهال، مصرف آنتی بیوتیک، وجود بیماری زمینه ای و سایر اطلاعات جانبی مربوط به بیمار اخذ می گردید، تا در تجزیه و تحلیل نتایج مورد استفاده قرار گیرند. نمونه های گرفته شده در داخل ظرف مخصوص نمونه گیری حداکثر ظرف مدت ۴ ساعت به مرکز منتقل می شدند. نمونه ها به سرعت مورد آزمایش قرار می گرفتند. در غیر این صورت جهت پایداری فعالیت توکسین ها، نمونه های مدفوع، در یخچال با

برای مشخص کردن اندازه تقریبی قطعات DNA الکتروفورز شده از مارکر ۱۰۰ bp استفاده شد. در این مطالعه از سویه رفرانس VPI 10463 به عنوان کنترل مثبت برای ژن‌های *tcdB*، *tcdA*، *Cdd3* و از نرم افزار SPSS جهت انجام آنالیزهای آماری استفاده گردید.

پس از انجام PCR، محصولات PCR در ژل آگارز با غلظت ۱٪ یا ۰/۵٪ در بافر TBE (Tris base boric acid EDTA) و در ولتاژ ۹۰ به مدت ۴۰ دقیقه الکتروفورز شده و پس از رنگ آمیزی در اتیدیوم بروماید 10µg/ml با دستگاه Gel documentation (Bio-Rad) مورد بررسی قرار گرفتند.

جدول ۱. مشخصات پرایمرهای استفاده شده در PCR برای سه ژن *tcdA*، *cdd3* و *tcdB*

نام پرایمر	توالی نوکلئوتیدی	وزن مولکولی (bp)	نام ژن
Tim6	۳' TCCAATATAATAAAATTAGCATTCC ۵'	۶۲۲	<i>cdd3</i>
TA1	۳' ATGATAAGGCAACTTCAGTGG ۵'	۶۲۴	<i>tcdA</i>
TB1	۳' GAGCTGCTTCAATTGGAGAGA ۵'	۴۱۲	<i>tcdB</i>

جدول ۲. زمان و شرایط مورد استفاده برای انجام PCR بر حسب نوع ژن

step	Temp. (°C)			Time (Min)		
	<i>Cdd3</i>	<i>tcdA</i>	<i>tcdB</i>	<i>Cdd3</i>	<i>tcdA</i>	<i>tcdB</i>
Initial denaturation	۹۵	۹۵	۹۵	۵	۵	۵
Denaturation	۹۵	۹۵	۹۵	۱	۱	۱
Annealing	۵۸	۵۸	۵۸	۱	۱	۱
Extension	۷۲	۷۲	۷۲	۱/۵	۱/۲	۱/۲
Final Extension	۷۲	۷۲	۷۲	۱۰	۵	۵
Cycle number	۴۲	۳۲	۳۲			

جدول ۳. Master Mix استفاده شده برای PCR بر حسب نوع ژن

	<i>Cdd3</i>	<i>tcdA</i>	<i>tcdB</i>
D.D.W	۱۶/۳ µl	۱۶/۱ µl	۱۷/۱ µl
10X PCR buffer	۲/۵ µl	۲/۵ µl	۲/۵ µl
MgCl ₂ (50mM)	۱/۵ µl	۱ µl	۱ µl
dNTP mix(25mM)	۰/۵ µl	۱ µl	۱ µl
Primer-F(20pM)	۰/۵ µl	۱ µl	۰/۵ µl
Primer-R(20pM)	۰/۲ µl	۱ µl	۰/۵ µl
Taq Polymerase(5unit/ µl)	۰/۵ µl	۰/۴ µl	۰/۴ µl
DNA template	۲ µl	۲ µl	۲ µl
Total volume	۱۲۵ µl	۲۵ µl	۲۵ µl

نتایج

از مجموع ۹۸ نمونه استفاده شده، ۴۷ نمونه (۴۸٪) مربوط به زنان و ۵۱ نمونه (۵۲٪) مربوط به مردان بود. از این تعداد، ۳۹ کشت (۳۹/۸) برای کلستریدیوم دیفیسیل مثبت به دست آمد. تمام ایزوله‌های کلستریدیوم دیفیسیل از

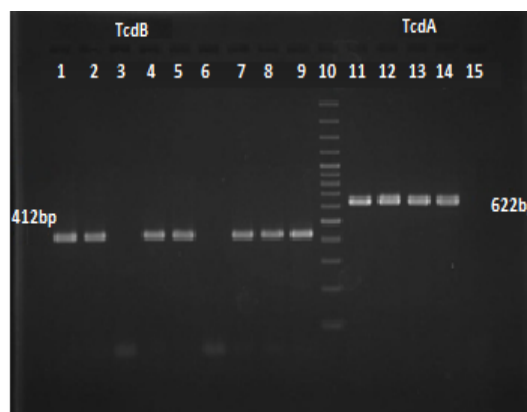
نظر ژن *cdd3* مثبت بودند. در مجموع شیوع ایزوله‌های توکسین‌زا در بین بیماران ۱۵/۳٪ گزارش شد. از این تعداد ۱۲ ایزوله (۱۲/۲٪) به صورت A+B+، یک ایزوله (۱٪) A- و دو ایزوله (۲٪) A+B- مثبت بودند (تصویر ۱، جدول ۴).

جدول ۴. فراوانی توکسین A و B در بین نمونه‌های بررسی شده

	Frequency	Percent	Valid Percent	Cumulative Percent
Valid A pos	۲	۲	۲	۲
B pos	۱	۱	۱	۳/۱
AB pos	۱۲	۱۲/۳	۱۲/۳	۱۵/۳
neg	۸۳	۸۴/۷	۸۴/۷	۱۰۰
Total	۹۸	۱۰۰	۱۰۰	

است. فراوانی ایزوله‌های مثبت در بخش عفونی نشان از گسترش بیشتر ایزوله‌های توکسین‌زا در این بخش دارد. بیشترین آنتی‌بیوتیک‌های مصرف شده بین ۱۵ بیمار دارای سویه‌های توکسین مثبت، سفالوسپورین‌های نسل سوم، مترونیدازول و کلیندامایسن بودند. همچنین از ۱۵ بیمار مثبت شده از مجموع ۹۸ بیمار، ۱۰ نفر دارای لوکوسیتوز بودند که بین وجود لوکوسیتوز و عفونت با کلستریدیوم دیفیسیل رابطه معنی‌داری مشاهده شد ($P < 0/05$).

بر اساس مدت زمان بستری در بیمارستان و عفونت با کلستریدیوم رابطه معنی‌دار و مستقیمی مشاهده شد ($P < 0/05$)؛ به این ترتیب که طول دوره بستری شدن در بیمارستان به چهار دوره کمتر از ۵ روز، ۵ تا ۱۰ روز، ۱۰ تا ۱۵ روز و بیشتر از ۱۵ روز تقسیم شد و مشاهده شد که بیشترین موارد عفونت با کلستریدیوم دیفیسیل (۷ ایزوله توکسین مثبت) در افرادی می‌باشد که بیشتر از ۱۰ روز در بیمارستان بستری باشند.

تصویر ۱. محصول PCR ژن *tcdA* و *tcdB*

چاهک ۱ و ۱۴: کنترل مثبت VPI 10463

چاهک ۶ و ۱۵: کنترل منفی

چاهک ۱۰: Ladder 100bp

سایر چاهک‌ها مربوط به نمونه بیماران است.

بدون توجه به بیمارستان، ۶ ایزوله (۴۰٪) از بخش عفونی، ۴ ایزوله (۲۶/۷٪) از بخش داخلی، ۲ ایزوله از آی‌سی‌یو (۱۳/۳٪) و بقیه ایزوله‌ها از سایر بخش‌ها جدا شده

در مطالعه‌ای که در اسپانیا در سال ۲۰۰۵ انجام شد، شیوع سویه‌های A+B+ را ۴/۵٪ و سویه‌های A-B+ را ۵٪ گزارش کردند (۱۹). در مطالعه مشابهی که در کره انجام شده، شیوع ایزوله‌های A-B+ به میزان ۲۵/۷٪ و ایزوله‌های A+B+ به میزان ۵۶/۹٪ گزارش شده است. در اروپا شیوع ایزوله‌های A-B+ حدود ۶/۲٪ و در چین ۳۳/۳٪ گزارش شده است (۲۰). مطالعه‌ای در ژاپن در سال ۲۰۰۷ شیوع سویه‌های A-B+ را ۶/۳٪ گزارش کرده است (۲۱). این مطالعات نشان می‌دهند که فراوانی سویه‌های توکسین‌زای کلستریدیوم دیفیسیل در نقاط مختلف جغرافیایی متفاوت بوده و نیاز به بررسی مستمر دارد. با توجه به اینکه در این مطالعه نیز نمونه‌ها از کل بیمارستان‌های تهران نبوده، ممکن است نتایج مطالعه نشان دهنده وضعیت موجود در کل شهر تهران نباشد و بنابراین مطالعات بیشتر در این زمینه لازم می‌باشد.

از مجموع ۱۵ بیمار دارای سویه توکسین‌زا، ۵ بیمار (۳۳/۳٪) در طول ۴ هفته قبل از مراجعه به مرکز، کلیندامایسین مصرف کرده بودند که از نظر آماری کاملاً معنی‌دار بود ($P < 0.05$). یکی از عوامل خطر در ابتلا به کلستریدیوم دیفیسیل مصرف آنتی‌بیوتیک‌ها می‌باشد و کاهش استفاده از برخی آنتی‌بیوتیک‌ها همانند سفالوسپورین‌ها، آمپی‌سیلین‌ها، آموکسی‌سیلین و کلیندامایسین باعث کاهش ابتلا به CDI می‌گردند (۲۲).

پیشنهادات

به دلیل بالا بودن میزان شیوع سویه‌های توکسین‌زای کلستریدیوم دیفیسیل در بیمارستان‌هایی که مورد مطالعه قرار گرفتند، انجام آزمایش‌های تشخیص این باکتری به‌طور روتین در بیماران مشکوک به عفونت با این باکتری پیشنهاد می‌شود.

سپاسگزاری

بدینوسیله از کلیه همکاران دپارتمان بیماری‌های اسهالی ناشی از آب و غذای مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی جهت همکاری در این مطالعه سپاسگزاری می‌شود. همچنین از زحمات آقایان مهدی گودرزی و هومن سلیمی‌زند تشکر می‌شود.

در این بخش از مطالعه، ۲۴ ایزوله (۲۴/۴٪) کلستریدیوم دیفیسیل غیر توکسیژنیک نیز از بیماران جدا گردید و این نشان می‌دهد که میزان حاملین به سویه‌های غیر توکسیژنیک کلستریدیوم دیفیسیل نسبتاً بالا می‌باشد.

بحث

در میان ۹۸ نمونه بررسی شده از نظر شیوع CDI در این مطالعه، ۱۵ ایزوله توکسین‌زا (۱۵/۳٪) و ۲۴ ایزوله غیر توکسین‌زا به دست آمد.

در یک مطالعه در مورد میزان شیوع اسهال‌های بیمارستانی در یک بیمارستان در ترکیه گزارش شده که این عفونت‌ها پنجمین عفونت بیمارستانی به حساب می‌آیند و ۷ درصد عفونت‌های بیمارستانی را تشکیل می‌دهند. در همین بیمارستان کلستریدیوم دیفیسیل عامل ۲۲/۲٪ اسهال‌های بیمارستانی بوده است (۱۶). در مطالعه‌ای در سال ۱۹۸۸ در برزیل، فراوانی کلستریدیوم دیفیسیل توکسیژنیک در موارد اسهال‌های بیمارستانی ۱۳/۸ درصد گزارش شده است (۱۷). در مطالعه‌ای که توسط صادقی‌فر و همکاران در سال ۱۳۸۳ بر روی نمونه‌های جدا شده از بیمارستان‌های سطح تهران انجام گرفت، شیوع سویه‌های توکسین‌زای کلستریدیوم دیفیسیل ۶/۱٪ گزارش گردید. لازم به ذکر است که در مطالعه مذکور فقط توکسین B و با تست سایتو توکسیسیتی بررسی شده بود (۱۸).

علت بالا بودن نتیجه به دست آمده از شیوع CDI در مطالعه حاضر نسبت به مطالعه صادقی‌فر و همکاران این است که بیماران بررسی شده در بررسی حاضر افرادی بودند که شواهد و زمینه ابتلای به کلستریدیوم دیفیسیل را داشتند. از جمله این موارد، مصرف آنتی‌بیوتیک و یا بستری بودن در بیمارستان بود. اما در بررسی صادقی‌فر و همکاران، از تمام بیمارانی که دارای اسهال بودند به عنوان جمعیت هدف استفاده شده است. همچنین در مطالعه حاضر، هر دو توکسین A و B مورد بررسی قرار گرفتند.

از بین ۱۵ نمونه (۱۵/۳٪) مثبت شده از نظر توکسین‌زایی، ۱۲ نمونه (۱۲/۲٪) دارای توکسین A+B+، ۲ نمونه (۲٪) دارای توکسین A+B- و ۱ نمونه (۱٪) دارای توکسین A-B بودند.

References

- Hall I C, O'toole E. Intestinal flora in newborn infants with a description of a new pathogenic anaerobe. *Am J Dis Child* 1935; 49(2): 390-402.
- Brazier J.S. The diagnosis of *Clostridium difficile*-associated disease. *J Antimicrob Chemot* 1998; 41 Suppl C: 29-40.
- Feldman RJ, Kallich M, Weinstein MP. Bacteremia due to *Clostridium difficile*: case report and review of extraintestinal *C. difficile* infections. *Clin Infect Dis* 1995; 20(6): 560-2.
- Borriello S.P, Larson HE. Antibiotic and pseudomembranous colitis. *J Antimicrob Chemother* 1981; 7(suppl A) 53-62.
- Larson HE, Barclay FE, Honour P, Hill ID. Epidemiology of *Clostridium difficile* in infants. *J Infect Dis* 1982; 146(6): 727-33.
- McFarland LV. Epidemiology, risk factors and treatment for antibiotic-associated diarrhea. *Dig Dis* 1998; 16(5): 292-307.
- Riley TV, O'Neill GL, Bowman RA, Golledge CL. *Clostridium difficile* associated diarrhea: epidemiological data from western Australia. *Epidemiol infect* 1994; 113(1): 13-20.
- Lyerly D.M, Krivan H.C, Wilkins T.D. *Clostridium difficile*: its diseases and toxins. *Clin Microbiol Rev* 1998; 1(1): 1-18.
- Rothman S.W, Brown J E, Diecidue A, Foret D.A. Differential cytotoxic effects of toxins A and B isolated from *Clostridium difficile*. *Infect Immun* 1984; 46(2): 324-31.
- Taylor NS, Thorne GM, Bartlett JG. Comparison of two toxins produced by *Clostridium difficile*. *Infect Immun* 1981; 34(3): 1036-43.
- Just I, Gerhard R. Large clostridial cytotoxins. *Rev Physiol Biochem Pharmacol* 2004; 152: 23-47.
- Doern GV, Coughlin RT, Wu L. (1992) Laboratory diagnosis of *Clostridium difficile* associated gastrointestinal disease: comparison of a monoclonal antibody enzyme immunoassay for toxins A and B with a monoclonal antibody immunoassay for toxin A only and two cytotoxicity assay. *J Clin Microbiol* 30: 2042-6.
- Fekety R. Antibiotic associated colitis. In: principle and practices of infectious disease, 3rd ed., Mandel, G., Douglas RG, Bennet JE, (editors), New York, Churchill Livingston, PP 863-9.
- Langley JM, LeBlanc JC, Hanakowski M, Goloubeva O. The role of *Clostridium difficile* and viruses as causes of nosocomial diarrhea in children. *Infect Control Hosp Epidemiol* 2002; 23(11): 660-4.
- Spigaglia P, Mastrantonio P. Molecular Analysis of the Pathogenicity Locus and Polymorphism in the Putative Negative Regulator of Toxin Production (TcdC) among *Clostridium difficile* Clinical Isolates. *J Clin Microbiol* 2002; 40(9): 3470-5.
- Gorenek L, Dizer U, Besirbellioglu B, Eyigun CP, Hacibektasoglu A, Van Thiel DH. The diagnosis and treatment of *Clostridium difficile* in antibiotic-associated diarrhea. *Hepatogastroenterology* 1999; 46(25): 343-8.

17. Gracia LB, Uzeda M. Occurrence of clostridium difficile in fecal samples of children in Rio de Janerio, RJ. *Rev Inst Med Trop So Paulo* 1998; 30(16): 419-23 [Portuguese].
18. Sadeghifard N, Salari M.H, Ghassemi MR, Shirazi MH, Feizabadi MM, Kazemi B, et al. Prevalence of Clostridium difficile- Associated Diarrhea in Hospitalized Patients with Nosocomial Diarrhea. *Iranian J Publ Health* 2005; 34(4): 67-72.
19. Alonso R, Martin A, Pelaez T, Marin M, Rodriguez-Creixems M, Bouza E. Toxigenic status of Clostridium difficile in a large Spanish teaching hospital. *J Med Microbiol* 2005; 54(pt 2): 159-62.
20. Heejung K, Seok HJ, Kyoung HR, Seong GH, Jong WK, Myung-Geun Sh, et al. Investigation of toxin gene diversity, molecular epidemiology, and antimicrobial resistance of clostridium difficile isolated from 12 hospitals in South Korea. *Korean J Lab Med* 2010; 30: 491-7.
21. Kikkawa H, Hitomi S, Watanabe M. Prevalence of toxin A-nonproducing/toxin-B-producing Clostridium difficile in the Tsukuba-Tsuchiura district, Japan. *J Infect Chemother* 2007; 13(1): 35-8.
22. Ludlam H, brwown N, Sule O, Redpath C, Coni N, Owen G. An antibiotic policy associated reduced risk of Clostridium difficile-associated diarrhea. *Age Ageing* 1998; 28(6): 278-80.

The Frequency of Toxigenic Strains of *Clostridium difficile* in Hospitalized Patients with Diarrhea in Tehran/Iran by PCR Method, 2010

Azizi O., M.Sc.¹, Aslani M.M., Ph.D.^{2*}, Azimi rad M., B.Sc.³, Alebouyeh M., Ph.D.⁴, Mousavi S.F., Ph.D.⁵, Zali M.R., M.D.⁶

1. Master of medical microbiology, Pasteur institute of Iran, Tehran, Iran
2. Professor, Department of Microbiology, Pasteur institute of Iran, Tehran, Iran
3. Bachelor of laboratory science, Research Center of Gastroenterology and Liver Disease, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran
4. Assistant Professor of Microbiology, Research Center of Gastroenterology and Liver Disease, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran
5. Assistant Professor, Department of Microbiology, Pasteur institute of Iran, Tehran, Iran
6. Professor, Research Center of Gastroenterology and Liver Disease, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

* Corresponding author; e-mail: mmaslani@yahoo.com

(Received: 29 Jan. 2012 Accepted: 7 Nov. 2012)

Abstract

Background & Aims: *Clostridium difficile* has been identified as a pathogen in antibiotic associated diarrhea (AAD), pseudomembranous colitis and also nosocomial diarrhea. The present study was performed to find the prevalence of toxigenic strains of *C. difficile* isolated from diarrhea patients hospitalized in Tehran hospitals.

Method: A total of 98 fecal samples obtained during July to December 2010 were studied. Samples were rapidly cultured on the CCFA medium and incubated at the anaerobic conditions. Then ELISA was done to detect toxin A and B in the stool. Molecular identification of *C. difficile* was done by cdd3 universal primer and toxin A gene (tcdA), toxin B gene (tcdB) and binary toxin profiles were determined by PCR method.

Results: from a total of 98 fecal samples, 15 samples (15.3%) were positive of which, 12 strains (21.2%) were A+B+, 2 strains (2%) were A+B-, and 1 strain (1%) was A-B+.

Conclusion: This study showed that *Clostridium difficile* is an important pathogen in the development of nosocomial diarrhea. Therefore, routine detection of *C. difficile* in suspected cases is recommended.

Keywords: *Clostridium difficile*, *C. difficile* enterotoxin A, *C. difficile* enterotoxin B, Diarrhea